

MOEフォーラム2017

創薬・生命科学研究に最適な分子設計環境MOEの最新情報、応用事例の紹介

統合計算化学システムMOEの最新情報と応用事例を紹介する「MOEフォーラム2017」を開催いたします。

MOEフォーラムは、MOEに関連する最新のトピックスをご提供する場として、研究者の方は自由にご参加頂けます。

計算化学に関する自由闊達な意見交換、議論の場にして頂きたく存じますので、皆様奮ってご参加ください。



CHEMICAL
COMPUTING
GROUP

MOLSIS



日時 平成29年 7月 7日 (金) 10:00~17:30 (開場 9:30)

会場 大手町サンケイプラザ3F 301、302会議室 東京都千代田区大手町1-7-2

参加費 無料

対象 創薬ならびに生命科学分野等のご研究者様

創薬・生命科学研究に最適な分子設計環境MOEの最新情報、応用事例の紹介

MOEフォーラムでは、MOEの開発スタッフから、計算化学分野における最新の基礎研究の成果を紹介します。また、生命科学、創薬研究の分野の第一線で活躍されている先生方をお招きし、MOEを利用されたご研究の応用事例を発表して頂きます。更に、弊社技術スタッフによるMOEの応用的な利用例をご紹介します。

MOE最新情報

Prediction of Protein-Protein Binding Sites and Epitope Mapping

Chemical Computing Group
Executive Vice President, Elizabeth Sourial

Optimizing Protein Properties in the Cloud with MOE

Chemical Computing Group
President, CEO, Paul Labute.

招待講演

創薬等研究推進に向けたタンパク質の大規模情報解析

産業技術総合研究所 富井健太郎先生

Structure-based drug design の手法を活用した創薬シード創製

協和発酵キリン株式会社 小葦泰治先生

創薬研究におけるSupervised Molecular Dynamicsの有効性検証

旭化成ファーマ株式会社 鷹羽 健一郎先生

タンパク質間相互作用を誘導する有機小分子とその相互作用の解析法の開発

名古屋大学大学院 北将樹先生

Integrated in silico Strategy for Drug Discovery

東海大学 平山令明先生

スケジュール

時間	プログラム
10:00~10:10	ご挨拶
10:10~10:25	MOEイントロダクション
10:25~11:00	創薬等研究推進に向けたタンパク質の大規模情報解析
11:10~11:40	Prediction of Protein-Protein Binding Sites and Epitope Mapping
11:40~12:00	MOEを用いたペプチドドッキングシミュレーション
12:00~13:10	ランチ&デモンストレーション
13:10~13:40	Structure-based drug design の手法を活用した創薬シード創製
13:40~14:15	創薬研究におけるSupervised Molecular Dynamicsの有効性検証
14:30~14:50	PSILO: 新機能紹介
14:50~15:25	タンパク質間相互作用を誘導する有機小分子とその相互作用の解析法の開発
15:25~16:00	Integrated in silico Strategy for Drug Discovery
16:15~16:50	Optimizing Protein Properties in the Cloud with MOE
16:50~17:30	MOE 2017 Overview、質疑応答

*スケジュールやプログラムは、変更される場合がありますので、予めご了承願います。

お問い合わせ: 株式会社モルシス Tel: 03-3553-8030 E-mail: moe2017@molsis.co.jp

詳細: https://www.molsis.co.jp/seminor/moe_forum2017/