

Partek Express

シンプルな遺伝子発現解析ソフト

- ・ データ解析初心者向けパッケージ
- ・ マイクロアレイの遺伝子発現解析に必要な機能をトータルにサポート
- ・ アフィメトリクス社のGeneChipやイルミナ社のBeadArray、アジレント社、ロシュ社のマイクロアレイに対応
- ・ データの読み込みから統計解析、アノテーションまでの一連の解析をシンプルな操作で実現
- ・ パスウェイ解析ソフトウェアとの連携も可能
- ・ プレゼンテーション用グラフの作成もサポート
- ・ Windows, Mac OS Xで動作



遺伝子発現解析に特化したマイクロアレイデータ解析ソフトウェア

Partek Expressは、遺伝子発現解析に必要な機能だけで構成されたデータ解析初心者向けパッケージソフトウェアです。アフィメトリクス社のGeneChipやイルミナ社のBeadArray、アジレント社、ロシュ社のマイクロアレイのデータ解析をサポートします。操作方法は非常にシンプルです。表示される設定画面に順番に入力するだけで、測定データのインポートから発現量に変動のある遺伝子の抽出まで一連の操作を行えます。2群比較から複数の実験条件のデータセットまで様々な実験条件で利用できます。クオリティコントロール機能や検出力分析機能を搭載しているので、問題のあるサンプルを取り除いたり解析に必要なサンプル数を推算することも可能です。プローブのアノテーション機能や解析結果を学会や論文発表で使用するための作図機能も搭載しています。使用したデータ、解析方法とその引用文献についての報告書を自動的に作成するので、論文作成時のユーザーの負担を軽減します。

Partek Expressを使った遺伝子発現解析ワークフロー

Start ▶ Study Definition ▶ Data Import & QC Check ▶ PCA ▶ Effect Sizes ▶ Gene Significance

遺伝子発現解析に必要な手順を、順次選択するだけで利用できます。

- ① 実験条件の入力
- ② 正規化とクオリティチェック
- ③ 主成分分析による予備的な解析
- ④ t検定またはANOVAを用いた統計解析
- ⑤ 発現に有意差がある遺伝子の抽出
- ⑥ 検出力分析によるFold Changeの閾値の決定、必要サンプル数の推算

機能

- シンプルなインターフェース
画面の指示に従って必要な情報を順次入力
結果はステップごとにグラフと表で出力
設定内容はレポートに出力
- クオリティチェック
コントロールプローブから外れ値を示すサンプルを検出(Affymetrix GeneChipのみ)
サンプル間のばらつきをチェック
実験に必要なサンプル数または閾値を判定
- データ解析機能
2群または3群以上の比較検定
発現変化に影響を与える表現型の特定
サンプル数と検出力の判定
- アノテーション、生物学的解釈機能
遺伝子のアノテーション情報の取得
- パスウェイ解析ソフトウェア連携機能
Ariadne Pathway StudioまたはIngenuity Pathway Analysisと連携が可能
(別途ライセンス契約が必要)
- 作図機能
QC結果、サンプルの主成分分析、効果量、遺伝子の発現量をグラフ表示
表示した画像をイメージファイル(JPEG, GIF, PNG, TIFF, SVG形式)に保存
- その他
データと解析アルゴリズムのリファレンスをレポート
解析データを圧縮ファイルとして保存

対応製品

- アフィメトリクス社 GeneChip
- イルミナ社 BeadArray
- アジレント社 マイクロアレイ
- ロシュ社 マイクロアレイ

ライセンス

- 年間ライセンス
ライセンス期間は1年/2年/3年等から選択できます
- マシン固定ライセンス
ご購入時にご登録いただいたマシン上でのみ利用できます

動作環境

- OS : Windows 10 / 8 / 7 (32bit / 64bit)
Mac OS X 10.9 ~ 10.6
- メモリ : 4GB以上
- ディスク : 150MB以上の空き領域 (プログラム領域のみ)
- その他 : USB2.0インターフェース, インターネット接続環境



株式会社モルシス

〒104-0033 東京都中央区新川一丁目28番38号 東京ダイヤビル

TEL : 03-3553-8030 FAX : 03-3553-8031

URL : <https://www.molsis.co.jp/> E-mail : sales@molsis.co.jp